

УДК 579.68:[579.222.2(98:282.256.341)]

Е.В. Мамаева<sup>1</sup>, П.С. Губарев<sup>2</sup>, А.Г. Горшков<sup>3</sup>, О.Н. Павлова<sup>4</sup>, М.Ю. Суслова<sup>5</sup>, О.Н. Изосимова<sup>6</sup>,  
Т.В. Ходжер<sup>7</sup>, Т.И. Земская<sup>8</sup>

## ДЕГРАДАЦИЯ НЕФТИ БАКТЕРИЯМИ, ВЫДЕЛЕННЫМИ ИЗ ДОННЫХ ОСАДКОВ КАРСКОГО МОРЯ И ОЗЕРА БАЙКАЛ

В модельном эксперименте оценена активность микроорганизмов, изолированных из донных осадков шельфа Карского моря и оз. Байкал в процессе деградации нефти. В условиях низкой температуры (+10°C) и солёности среды от 0 до 30 г/л (хлорида натрия) установлена низкая степень конверсии фракции н-алканов при культивировании бактерий из Карского моря (не более 30%) и более высокая активность сообщества байкальских микроорганизмов (степень конверсии до 95%). Отмечен избирательный отклик бактериальных сообществ на изменение уровня минерализации среды: незначительный результат влияния на деградацию н-алканов при культивировании штаммов из Карского моря. Резкое ускорение процесса конверсии алкановой фракции нефти происходит при культивировании байкальскими микроорганизмами в среде хлорида натрия от 7,0 до 15 г/л. Эффект синергизма при деградации нефти в условиях совместного культивирования штаммов из озера Байкал и Карского моря весьма незначителен.

*Ключевые слова:* бактерии-нефтедеструкторы, Карское море, оз. Байкал, н-алканы, нефть.

**Введение.** На шельфе Карского моря разведаны многочисленные нефтегазоносные структуры (до 100 млрд т условного топлива), на которые приходится более трети суммарных запасов углеводородов в экономической зоне России [Грамберг с соавт., 1993; Грамберг, Супруненко, 2000; Hirsch et al., 2006]. Очевидно, что в связи с освоением запасов углеводородов шельфовой зоны Арктики, возрастает вероятность техногенных угроз, способных нанести необратимый ущерб арктическим экосистемам. Изучение микроорганизмов арктической зоны показало, что темпы разложения нефтяных углеводородов в загрязнённых почвах и водных объектах в высокоширотных районах Арктики проходят очень медленно вследствие низких температур и продолжительного ледового периода [Atlas, 1985; Rike et al., 2001; Whyte et al., 2001]. В условиях повышенной солёности вод отмечено ингибирование деградации нефти [Haines et al., 1993; McMillen et al., 1995], уменьшение скорости роста и синтеза биомассы, задержка фазы роста микроорганизмов [Harris, 1981; Walworth et al., 2001]. Особые климатические и гидрологические условия Карского моря определяют различную солёность водных масс и уровень минерализации поровых вод донных осадков, что в свою очередь влияет на состав микробных сообществ [Мамаева с соавт., 2016]. Вопрос, насколько уровень минерализации поровых вод донных осадков Карс-

кого моря влияет на углеводородокисляющую активность микроорганизмов в настоящее время остаётся открытым. Озеро Байкал, так же, как и Карское море, характеризуется длительным ледовым периодом, низкими среднегодовыми температурами, наличием природных выходов нефти. По данным мониторинга поверхностных вод оз. Байкал установлено, что загрязнение нефтяными углеводородами имеет место только в районе природных нефтепроявлений [Горшков с соавт., 2010]. Ограниченная площадь этих участков свидетельствует об активных процессах биodeградации поступающей нефти микроорганизмами, адаптированными к специфическим условиям оз. Байкал [Павлова с соавт., 2008а; Павлова с соавт., 2012]. Влияние солёности на процессы биodeградации нефти байкальскими микроорганизмами не изучалось, поскольку вода оз. Байкал характеризуется низкой минерализацией, в то время как донные осадки – неравномерным пространственным распределением поровых вод различного ионного состава [Атлас Байкала, 1993; Погодаева с соавт., 2007].

Основная задача работы – в условиях лабораторного эксперимента оценить углеводородокисляющую активность микроорганизмов, изолированных из донных осадков Карского моря и озера Байкал, в условиях низкой положительной температуры (+10°C) и разной солёности среды (0–30 г/л).

<sup>1</sup> Лимнологический институт СО РАН, лаборатория микробиологии углеводородов, науч. с., канд. биол. н.; e-mail: vaynillka@gmail.com

<sup>2</sup> Московский государственный университет имени М.В. Ломоносова, географический факультет, кафедра рационального природопользования, студент; e-mail: gubarevps@gmail.com

<sup>3</sup> Лимнологический институт СО РАН, лаборатория хроматографии, зав. лаб., доцент, канд. хим. н.; e-mail: gorshkov\_ag@gmail.com

<sup>4</sup> Лимнологический институт СО РАН, лаборатория микробиологии углеводородов, ст. науч. с., канд. биол. н.; e-mail: pavlova@lin.irk.ru

<sup>5</sup> Лимнологический институт СО РАН, лаборатория водной микробиологии, науч. с., канд. биол. н.; e-mail: suslova@lin.irk.ru

<sup>6</sup> Лимнологический институт СО РАН, лаборатория хроматографии, аспирант; e-mail: smileoc@mail.ru

<sup>7</sup> Лимнологический институт СО РАН, лаборатория гидрохимии и химии атмосферы, зав. лаб., профессор, докт. хим. н.; e-mail: khodzher@lin.irk.ru

<sup>8</sup> Лимнологический институт СО РАН, лаборатория микробиологии углеводородов, зав. лаб., докт. биол. н.; e-mail: tzema@lin.irk.ru

**Материалы и методы исследования.** Для исследования были взяты чистые культуры бактерий, изолированные из донных отложений районов шельфа Карского моря в 2009 г. и из донных отложений двух районов оз. Байкал в 2013 г. Их филогенетический статус был определен по структуре нуклеотидных последовательностей гена 16S рРНК (табл.). Выделение ДНК из чистых культур и филогенетический анализ полученных последовательностей проводили по методу П.А. Рошель [1992]. Амплификацию генов 16S рРНК и *alk*-генов группы В осуществляли с использованием универсальных бактериальных праймеров 500I/1350r и *alkB3f/alkB3r*, соответственно [Lane, 1991; Sei et al., 2003]. ПЦР выполняли по методике, описанной ранее [Sambrook et al., 1989]. Полученные в ходе работы нуклеотидные последовательности чистых культур депонированы в базе данных GenBank под номерами: JN203043–JN203049, JN203014–JN203042, JN133442–JN133497, JX413060–JX413100, JX441119–JX441299, KT220707–KT220732.

Для оценки роли микроорганизмов в процессе биodeградации<sup>9</sup> нефти в психрофильных условиях и условиях различной солености были созданы три ассоциации микроорганизмов. Первая ассоциация (№ 1) была представлена бактериями родов: *Bacillus* sp., *Brevibacillus laterosporus*, *Aeromonas piscicola* и *Plantibacter* sp., изолированных из поверхностного слоя донных осадков шельфа Карского моря и Енисейского залива. Ассоциация № 2 – микроорганизмами, изолированными из донных осадков оз. Байкал района естественного нефтепроявления, расположенного у м. Горевой Утес и района грязевых вулканов Кукуйского каньона К2 (*Microbacterium* sp., *Paenibacillus* sp., *Rhodococcus* sp., *Rhodococcus* sp.). Бактериальная ассоциация № 3 включала штаммы сообществ № 1 и № 2. Активность созданных сообществ оценивали путем их культивирования на минеральной среде следующего состава (г/л):  $\text{KH}_2\text{PO}_4$  – 2;  $\text{CaCl}_2 \cdot 2\text{H}_2\text{O}$  – 0,01;  $\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$  – 0,2;  $\text{FeSO}_4$  – 0,01;  $\text{NH}_4\text{NO}_3$  – 2;  $\text{MnSO}_4 \cdot 5\text{H}_2\text{O}$  – 0,02;  $\text{Na}_2\text{HPO}_4$  – 3;  $\text{Na}_2\text{CO}_3$  – 0,1, рН 7,2 с добавлением 0,05 мл сырой нефти (Ангарский нефтехимический завод, Россия) к 100 мл среды. Соленость обеспечивали добавлением в среду NaCl в концентрации: 0, 7, 15 и 30 г/л.

Односуточные культуры бактерий ( $1 \cdot 10^7$  кл/мл) разных видов в равных количествах суспендировали в пробирке со стерильной водой, затем по 1 мл взвеси помещали в экспериментальные флаконы объемом 250 мл. Флаконы помещали на орбитальный шейкер «BioSan OS-10» (Латвия) и культивировали в течение 30 сут. при 10°C, 90 об/мин.

Хроматографический анализ экстрактов экспериментальных сред проводили с применением метода хроматомасс-спектрометрии, по методике описанной ранее, через 3, 8, 15 и 30 суток [Пав-

лова с соавт., 2008б]. Количество n-алканов и ПАУ в экспериментальных смесях после культивирования микробного сообщества в течение фиксированного интервала времени рассчитывали, как среднее значение для двух параллельных экспериментов. Суммарная погрешность определения n-алканов и ПАУ оценена значением 24%, погрешность измерения площади пиков – 5%, погрешность измерения соотношения площадей – 7%. Статистическую обработку данных проводили с использованием программного обеспечения пакета Microsoft Excel 2010.

#### Результаты исследований и их обсуждение.

Эксперименты по биodeградации нефти в психрофильных условиях и различной солености показали, что среди использованных ассоциаций нефтеокисляющих штаммов менее активными деструкторами n-алканов являлась ассоциация штаммов, изолированных из донных осадков Карского моря (№ 1). Максимальная конверсия фракции n-алканов до 30% выявлена при культивировании бактерий из Карского моря в среде без добавления NaCl (рис. 1, А). С увеличением в среде концентрации NaCl процесс конверсии замедлялся. При содержании соли 7, 15 и 30 г/л количество n-алканов в нефти снижалось на 27, 22 и 15% за 30 суток соответственно.

Во второй серии экспериментальных образцов (№ 2) с байкальскими микроорганизмами максимальная степень деградации обнаружена после 30 сут. культивирования, в результате которого суммарное количество n-алканов в конце эксперимента не превышало 1,5% от их содержания в добавленной нефти (рис. 1, Б). За первые 8 сут. культивирования отмечено уменьшение концентрации n-алканов в 20 раз, причем за счет окисления низкомолекулярных гомологов. Доля n-алканов, имеющих 10–16 атомов углерода в цепи, во фракции n-алканов за этот интервал времени уменьшилась в 2,5 раза. При этом увеличилась доля высокомолекулярных углеводородов (рис. 2). Максимальная конверсия n-алканов за 8 сут. отмечалась на средах, содержащих 7 г/л NaCl, в то время как отсутствие NaCl в среде или повышение концентрации до 30 г/л сопровождалось увеличением времени (до 30 сут.), необходимым для максимальной конверсии (рис. 1, Б). Полная деградация n-алканов была зафиксирована на хроматограммах экстрактов при сохранении пиков изопреноидов и нафтено-ароматического «горба». На всех уровнях деградации фракция n-углеводородов характеризовалась монотонным гомологическим рядом и отношением четных к нечетным гомологам, близким к 1 (СРІ=0,93–1,08). Во второй серии экспериментальных образцов за 15 сут. культивирования в добавленной нефти соотношение  $\text{C}_{17}/\text{Pr}$  уменьшилось от 1,13 до 0,34, соотношение  $\text{C}_{18}/\text{Ph}$  – от 1,38 до 0,46, в то время как соотношение изопреноидов  $\text{Pr}/\text{Ph}=1,41 \pm 0,1$  сохранялось в интервале погрешности измерения. Уменьшение этих показателей также свидетельству-

<sup>9</sup> Под деградацией в настоящей работе понимается уменьшение концентрации n-алканов в модельной системе, обусловленное присутствием микроорганизмов.

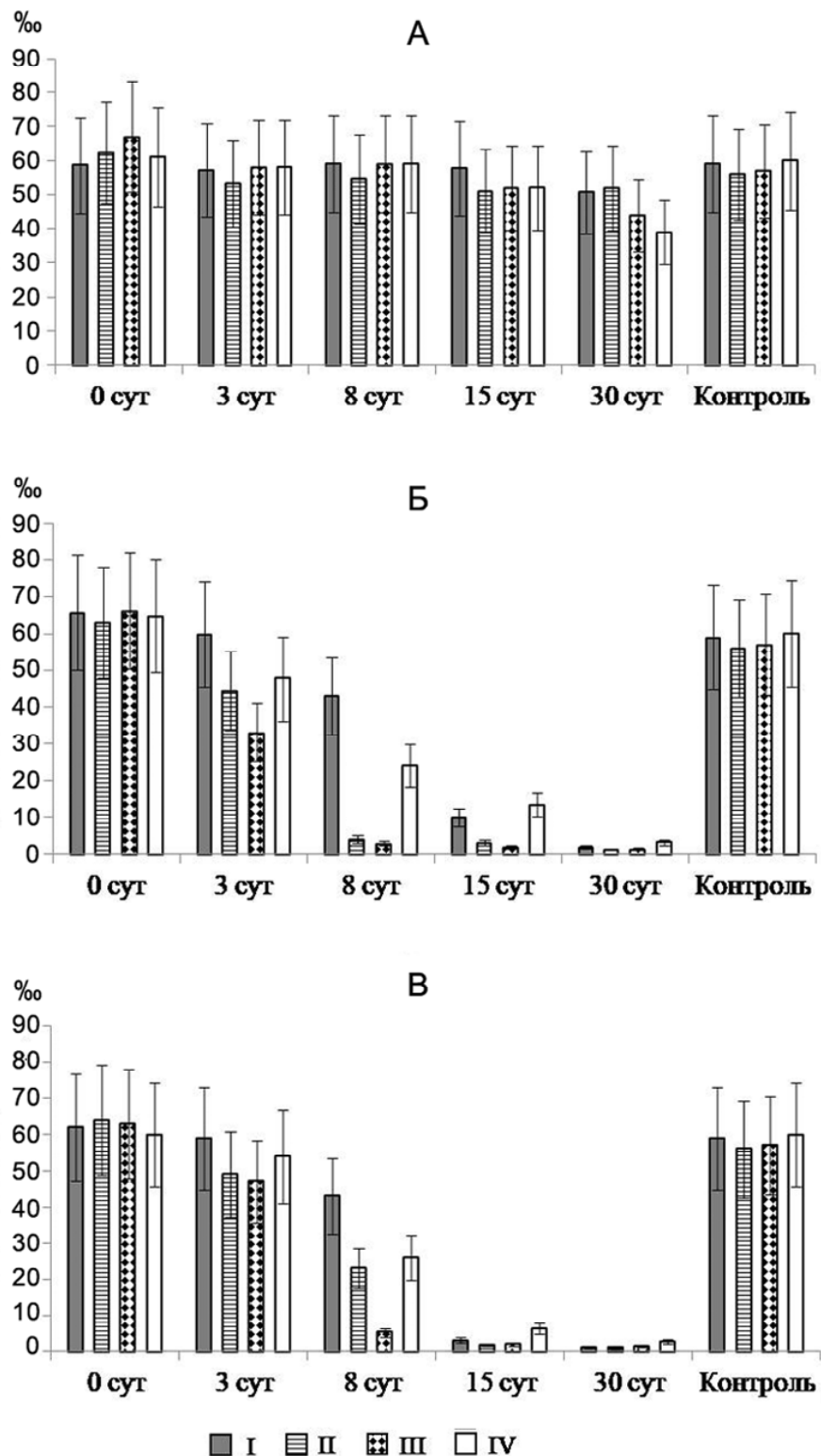


Рис. 1. Изменение суммарного содержания *n*-алканов при культивировании смеси штаммов микроорганизмов: А – изолированных из донных осадков Карского моря (№ 1); Б – из донных осадков оз. Байкал (№ 2); В – смесь № 1 и 2 на питательных средах с разной соленостью. Концентрация NaCl (г/л): I–30, II–15, III–7, IV–0

Fig. 1. Change in the total content of *n*-alkanes during the cultivation of a mixture with the strains of microorganisms: А – isolated from the bottom sediments of the Kara Sea (№ 1); Б – from the bottom sediments of the Baikal Lake (№ 2); В – mixture № 1 and № 2 on nutrient media with different salinity. Concentrations of NaCl (g/L): I–30, II–15, III–7, IV–0

ют о более интенсивном процессе окисления *n*-алканов ассоциацией байкальских бактерий. Следует отметить, что во всех сериях модельного эксперимента через 30 сут. культивирования количество ПАУ не изменялось, в том числе и доминирующих аренов – нафталинов и фенантронов. Это может быть обусловлено тем, что микроорганизмы наиболее легко разлагают *n*-алканы, затем изо-алканы и ароматические соединения [Michel, Hayes, 1999].

Аналогичная картина наблюдалась при совместном культивировании микроорганизмов, изолированных из донных осадков Карского моря и озера Байкал (рис. 1, В). Начало процесса конверсии *n*-алканов было зафиксировано на 8 сут. в экспериментальных флаконах, содержащих 7 или 15 г/л хлорида натрия. Необходимо отметить, что при культивировании бактериальной ассоциации № 3, результаты определения *n*-алканов в параллельных опытах отличались значительным разбросом от среднего значения конверсии алкановой фракции – от 0 до 90% (рис. 3), тогда как в сериях с ассоциациями микроорганизмов № 1 и 2 (рис. 1) полученные результаты характеризовались достаточно высокой сходимостью, относительное стандартное отклонение не превышает 17%. Отмеченный разброс результатов конверсии мог быть связан с антагонизмом в развитии микроорганизмов и, как следствие, торможения или ускорения процесса деградации *n*-алканов в зависимости от доминирова-

ния одного из микробных сообществ в среде культивирования. Очевидно, по этой причине не отмечен эффект синергизма в деградации нефти при совместном культивировании штаммов Карского моря и озера Байкал.

Наиболее распространенный механизм деструкции *n*-алканов прокариотами включает деградацию *alk*-системами. Установлено, что у 60% микроорганизмов наиболее часто выявляются алкангидроксилазы III группы (*alkB3*), обеспечивающие деградацию как короткоцепочечных, так длинноцепочечных *n*-алканов (имеющих более 20 атомов углерода в цепи) [Smits et al., 2002; van Beilen, Funhoff, 2007; Rojo, 2009; Piccolo et al., 2011]. Поэтому, для чистых культур микроорганизмов, используемых в эксперименте, проведен скрининг на наличие *alkB3* генов. Положительную ПЦР-реакцию с праймерами на *alk*-гены показали два штамма микроорганизмов, изолированные из донных осадков южной части Енисейского залива – штамм *Bacillus* sp. (Ар. 47–09) и *Aeromonas piscicola* (Ар. 46–09) и один штамм, изолированный из донных осадков оз. Байкал, отнесенный к роду *Rhodococcus* (BJC16-A50) (табл.).

Таким образом, в ассоциациях сообществ № 1 и 2 присутствовали штаммы, в геномах которых выявлены *alkB3* – гены, обеспечивающие деструкцию *n*-алканов в природных условиях. Можно предполагать, что более высокая активность штаммов байкальских микроорганизмов, выделенных из рай-

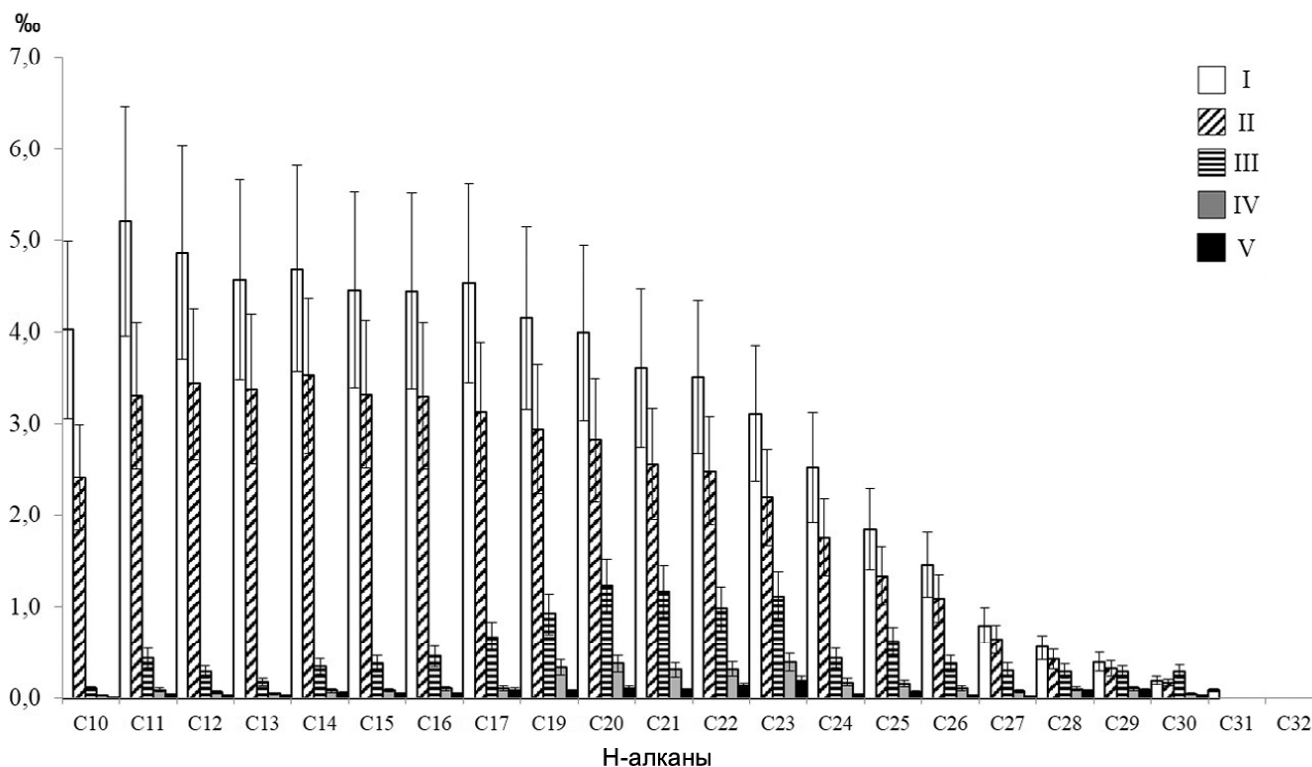


Рис. 2. Соотношение гомологов во фракции *n*-алканов при культивировании смеси штаммов микроорганизмов № 2 через: I–0 сут., II–3 сут., III–8 сут., IV–15 сут., V–30 сут. Концентрация NaCl 15 г/л

Fig. 2. The ratio of homologues in the fraction of *n*-alkanes during the cultivation of the strains mixture of microorganisms № 2 after: I–0 days, II–3 days, III–8 days, IV–15 days, V–30 days. Concentration of NaCl– 15 g/L

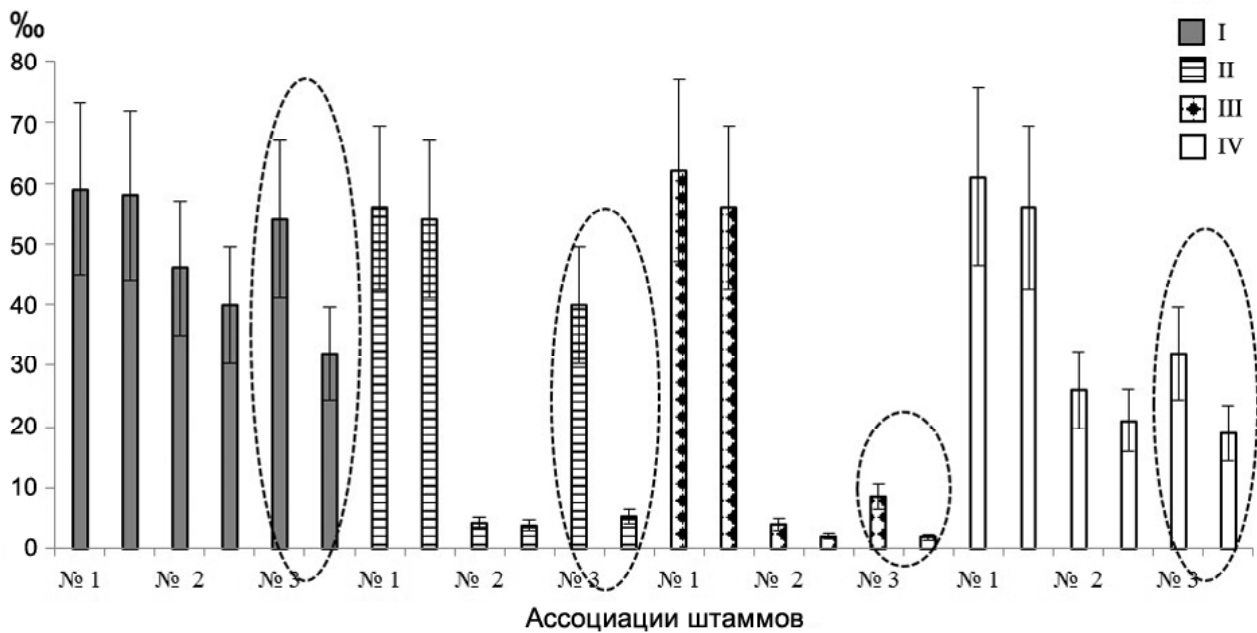


Рис. 3. Результаты определения суммарного содержания *n*-алканов в параллельных опытах через 8 сут. культивирования смеси штаммов № 1–3. Концентрация NaCl (г/л): I–30, II–15, III–7, IV–0. Овалом отмечены результаты определения в опытах со смесями штаммов № 3

Fig. 3. The total content of *n*-alkanes during the parallel experiments after 8 days of cultivation of the strains mixture № 1–3. NaCl concentrations (g/L): I–30, II–15, III–7, IV–0. The oval shows the results of the determination during the experiments with the mixtures of strains № 3

она естественного нефтепроявления, обеспечивается наличием в их геномах более широкого спектра генов, отвечающих за использование *n*-алканов. Аналогично галофильным прокариотическим популяциям [McGenity, 2010], способность деградиро-

вать углеводороды могла быть эволюционно закреплена в геномах байкальских микроорганизмов, обитающих в районе естественного выхода нефти. Вследствие геологических процессов нефть и продукты ее преобразования относятся к постоянным

**Анализ штаммов чистых культур бактерий, выделенных из донных осадков шельфа Карского моря и оз. Байкал**

Район выделения	№ станции	№ штамма	Длина, п. н.	Сходство, %	Ближайшая последовательность в NSBI и место ее выделения	ПЦР-анализ с праймерами на ген <i>alkB3</i>
Карское море						
Шельф Карского моря	Ст. 9	Ар. 16–09	1258	100	<i>Brevibacillus laterosporus</i> (DQ371289), Китай	–
		Ар. 46–09	1311	99	<i>Aeromonas piscicola</i> (HQ832417), коллекция типовых штаммов	+
Енисейский залив	Ст. 25	Ар. 47–09	1310	99	<i>Bacillus</i> sp. (EU308307), солеварня, Греция	+
		Ар. 55–09	1262	99	<i>Plantibacter</i> sp. (AM396918), Антарктика	–
Озеро Байкал						
Грязевой вулкан «К-2»		Б–1	550	99	<i>Rhodococcus</i> sp. BJC16-A50 (JX483773), вечная мерзлота	–
		Б–15	550	99	<i>Rhodococcus</i> sp. BJC16-A50 (JX483773), вечная мерзлота	+
Нефтяной сип «Горевой Утес»		Б–11	550	99	<i>Microbacterium</i> sp. OSS 27 (EU124562), почва, загрязненная металлами	–
		Б–12	550	95	<i>Paenibacillus</i> sp. EWF52 (GU120640), почва с минеральными шпатами	–

компонентам экосистемы восточного побережья центральной котловины озера, образование которых произошло в олигоцен – миоцене [Конторович с соавт., 2007]. Метаболизм штаммов из Карского моря, скорее всего, ориентирован на другие субстраты, и, как следствие, они являются минорными участниками в процессах деструкции n-алканов нефти.

Экспериментальные исследования с природным бактериальным сообществом из района разлива нефти в 2010 г. в Мексиканском заливе свидетельствовали об определяющем влиянии температурного фактора на развитие и активность разных таксонов микроорганизмов – деструкторов углеводородов [Liu et al., 2017]. В нашем случае более низкая активность бактерий из Карского моря не может быть объяснена влиянием этого фактора, поскольку эксперимент проводился при температуре, приближенной к природным условиям исследованных водоемов.

#### Выводы:

– процесс биодegradации нефти наиболее интенсивно протекал под воздействием микроорганизмов, изолированных из донных осадков оз. Байкал. Более высокая углеводородокисляющая активность

байкальских микроорганизмов обусловлена постоянным присутствием нефти и продуктов ее преобразования в экосистеме восточного побережья центральной котловины озера;

– концентрация соли в диапазоне от 7,0 до 15 г/л оказывает положительное влияние на углеводородокисляющую активность микроорганизмов, изолированных из оз. Байкал. В то время как отсутствие NaCl в среде для культивирования или ее высокие концентрации вызывают замедление процесса конверсии n-алканов;

– штаммы микроорганизмов, выделенные из шельфа Карского моря, оказались менее активными деструкторами нефти по сравнению с байкальскими штаммами. С увеличением в среде концентрации NaCl процесс конверсии замедляется;

– при оценке эффективности микробных сообществ в процессах биоремедиации на шельфе Карского моря необходимо учитывать значительные флуктуации солености вод, которые определяются притоком пресных вод реками Обь и Енисей (от 3–5 PSU в районе о. Диксон, до 34 PSU в открытом море).

**Благодарности.** Работа выполнена в рамках государственного задания по теме 0345–2016–0007 и Комплексной программы фундаментальных научных исследований СО РАН II.1 № 0345–2018–0002.

#### СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

- Атлас Байкала / Под ред. Г.И. Галазия. М.: Сибирское отделение АН СССР, Межведомственный совет программы «Сибирь», Федеральная служба геодезии и картографии, 1993. 160 с.
- Горшков А.Г., Маринайте И.И., Земская Т.И., Ходжер Т.В. Современный уровень нефтепродуктов в воде озера Байкал и его притоков // Химия в интересах устойчивого развития. 2010. Т. 18. С. 711–718.
- Грамберг И.С., Сороков Д.С., Супруненко О.И. Нефтегазовые ресурсы российского шельфа // Разведка и охрана недр. 1993. № 8. С. 8–11.
- Грамберг И.С., Супруненко О.И. Арктический шельф – будущее нефтегазовой промышленности России // Арктика на пороге третьего тысячелетия (ресурсный потенциал и проблемы экологии) / Под ред. И.С. Грамберга, Н.П. Лаверова СПб.: Наука, 2000. С. 133–144.
- Конторович А.Э., Каширцев В.А., Москвин В.И., Бурштейн Л.М., Земская Т.И., Костырева Е.А., Калмычков Г.В., Хлыстов О.М. Нефтегазоносность отложений оз. Байкал // Геология и геофизика. 2007. Т. 48. № 12. С. 1346–1356.
- Мамаева Е.В., Галачьянц Ю.П., Хабудаев К.В., Петрова Д.П., Погодаева Т.В., Ходжер Т.В., Земская Т.И. Метагеномный анализ микробных сообществ донных осадков шельфа Карского моря и Енисейского залива // Микробиология. 2016. Т. 85. № 2. С. 187–198.
- Павлова О.Н., Земская Т.И., Горшков А.Г., Косторнова Т.Я., Хлыстов О.М., Парфенова В.В. Сравнительная характеристика микробных сообществ двух районов естественных нефтепроявлений озера Байкал // Изв. РАН. Сер. биол. 2008а. Т. 3. С. 333–340.
- Павлова О.Н., Земская Т.И., Горшков А.Г., Парфенова В.В., Сулова М.Ю., Хлыстов О.М. Исследование микробного сообщества озера Байкал в районе естественных нефтепроявлений // Прикладная биохимия и микробиология. 2008б. Т. 2. № 3. С. 319–323.
- Павлова О.Н., Ломакина А.В., Горшков А.Г., Сулова М.Ю., Лихошвай А.В., Земская Т.И. Микробные сообщества и их способность окислять n-алканы в районе разгрузки газонефтеосодержащих флюидов в Среднем Байкале (мыс Горево Утес) // Изв. РАН. Сер. биол. 2012. Т. 5. С. 540–545.
- Погодаева Т.В., Земская Т.И., Голобокова Л.П., Хлыстов О.М., Минами Х., Сакагами Х. Особенности химического состава поровых вод донных отложений различных районов озера Байкал // Геология и геофизика. 2007. Т. 48. № 11. С. 1144–1160.
- Atlas R.M. Effects of hydrocarbons on microorganisms and biodegradation in Arctic ecosystems in Petroleum Effects in the Arctic Environment / Ed. F.R. Engelhardt. UK, London: Elsevier, 1985. P. 63–99.
- Haines J.R., Kadkhodayan M., Mocsny D.J., Jones C.A., Islam M., Venosa A.D. Effect of salinity, oil type, and incubation temperature on oil degradation. International symposium on in situ and on-site bioreclamation. USA: San Diego, 1993. P. 75–83.
- Harris R.F. Effect of water potential on microbial growth and activity / Eds J.F. Parr, W.R. Gardner, L.F. Elliott. Madison: Soil Science Society of America, 1981. P. 23–95.
- Hirsch R., Bezdek R., Wendling R. Peaking of world oil production and its mitigation // American Institute of Chemical Engineers Journal. 2006. V. 52. № 1. P. 1–7.
- Lane D. J. 16S/23S rRNA sequencing. Wiley: New York, 1991. P. 115–175.
- Liu J., Bacosa H.P., Liu Z. Potential environmental factors affecting oil-degrading bacterial populations in deep and surface waters of the Northern Gulf of Mexico // Front. Microbiol. 2017. V. 7. 2131 p.
- McGenity T.J. Halophilic hydrocarbon degraders / Ed. K.N. Timmis. Berlin: Springer-Verlag, 2010. P. 1939–1951.

McMillen S.J., Requejo A.G., Young G.N., Davis P.S., Cook P.D., Kerr J.M., Gray N.R. Bioremediation potential of crude oil spilled on soil / Eds. R.E. Hinchee, C.M. Vogel, F.J. Brockman. San Diego: Battelle Press, 1995. P. 91–99.

Michel J., Hayes M.O. Weathering patterns of oil residues eight years after the Exxon Valdez oil spill // *Mar. Poll. Bull.* 1999. V. 38. № 10. P. 855–863.

Piccolo L.L., Pasquale C.D., Fodale R., Puglia A.M., Quatrini P. Involvement of an alkane hydroxylase system of *Gordonia* sp. Strain SoCg in degradation of solidn-alkanes // *Appl. Environ. Microbiol.* 2011. V. 77. № 4. P. 1204–1213.

Rike A.G., Burren M., Instanes A. Response of cold-adapted microbial populations in a permafrost profile to hydrocarbon contaminants // *Polar Record.* 2001. V. 37. № 202. P. 239–248.

Rochelle P.A. DNA extraction for 16S rRNA gene analysis to determine genetic diversity in deep sediment communities // *FEMS Microbiol. Lett.* 1992. V. 100. P. 59–66.

Rojo F. Degradation of alkanes by bacteria // *Environ. Microbiol.* 2009. V. 11. № 10. P. 2477–2490.

Sambrook J., Fritsch E.F., Maniatis T. *Molecular Cloning*. New York: Cold Spring Harbor, 1989. 545 p.

Sei K., Mori K., Kohno T., Maki H. Development and application of PCR primers for monitoring alkane-degrading bacteria in seawater microcosm during crude oil degradation process // *Journal of Chemical Engineering of Japan.* 2003. V. 36. № 10. P. 1185–1193.

Smits T.H.M., Balada S.B., Witholt B., van Beilen J.B. Functional analysis of alkane hydroxylases from gram-negative and gram-positive bacteria // *J. Bacteriol.* 2002. V. 184. P. 1733–1742.

van Beilen J.B., Funhoff E.G. Alkane hydroxylases involved in microbial alkane degradation // *Appl. Microbiol. Biotechnol.* 2007. V. 74. № 1. P. 13–21.

Walworth J., Braddock J.F., Woolard C. Nutrient and temperature interactions in bioremediation of cryic soils // *Cold Regions Science and Technology.* 2001. V. 32, № 2–3. P. 85–91.

Whyte L.G., Goalen B., Hawari J., Labbe D., Greer C.W., Nahir M. Bioremediation treatability assessment of hydrocarbon-contaminated soils from Eureka, Nunavut // *Cold Reg. Sci. Technol.* 2001. V. 32. P. 121–132.

Поступила в редакцию 26.02.2018  
Принята к публикации 20.07.2018

**E.V. Mamaeva<sup>1</sup>, P.S. Gubarev<sup>2</sup>, A.G. Gorshkov<sup>3</sup>,  
O.N. Pavlova<sup>4</sup>, M.Yu. Suslova<sup>5</sup>, O.N. Izosimova<sup>6</sup>,  
T.V. Khodzher<sup>7</sup>, T.I. Zemskaya<sup>8</sup>**

#### **OIL DEGRADATION BY BACTERIA ISOLATED FROM BOTTOM SEDIMENTS OF THE KARA SEA SHELF AND THE BAIKAL LAKE**

The activity of microorganisms isolated from the bottom sediments of the Kara Sea shelf and Lake Baikal in the process of oil degradation was evaluated in a model experiment. Under low temperature (+10°C) and mineralization from 0 to 30 g/L (sodium chloride) the reduced conversion of *n*-alkanes in the cultivation of bacteria from the Kara Sea (less than 30%) and higher activity of Baikal microorganisms community (conversion up to 95%) were revealed. The response of bacterial communities to the change in the mineralization of the medium is selective: nonsignificant result of the influence on *n*-alkanes degradation in the cultivation of the Kara Sea strains, and a sharp acceleration of conversion of the oil alkane fraction in the cultivation of Baikal microorganisms under 7,0 to 15 g/L of sodium chloride in the medium. The effect of synergism during oil degradation under conditions of co-cultivation of the strains from Lake Baikal and the Kara Sea is inappreciable.

*Key words:* oil-oxidizing microorganisms, the Kara Sea, the Baikal Lake, *n*-alkanes, oil.

*Acknowledgements.* The study was carried out under the state research theme 0345–2016–0007 and the Complex Program of Basic Research of the SB RAS II.1 № 0345–2018–0002.

<sup>1</sup> Limnological Institute SB RAS, Laboratory of Hydrocarbon Microbiology, Scientific Researcher, PhD. in Biology; *e-mail:* vaynillka@gmail.com

<sup>2</sup> Lomonosov Moscow State University, Faculty of Geography, Department of Nature Management, student, *e-mail:* gubarevps@gmail.com

<sup>3</sup> Limnological Institute SB RAS, Laboratory of Chromatography, Associate Professor, Head of the Laboratory, PhD. in Chemistry; *e-mail:* gorshkov\_ag@gmail.com

<sup>4</sup> Limnological Institute SB RAS, Laboratory of Hydrocarbon Microbiology, Senior Scientific Researcher, PhD. in Biology; *e-mail:* pavlova@lin.irk.ru

<sup>5</sup> Limnological Institute SB RAS, Laboratory of Aquatic Microbiology, Senior Scientific Researcher, PhD. in Biology; *e-mail:* suslova@lin.irk.ru

<sup>6</sup> Limnological Institute SB RAS, Laboratory of Chromatography, post-graduate student; *e-mail:* smileoc@mail.ru

<sup>7</sup> Limnological Institute SB RAS, Laboratory of Hydrochemistry and Atmosphere Chemistry, Professor, Head of the Laboratory, D.Sc. in Chemistry; *e-mail:* khodzher@lin.irk.ru

<sup>8</sup> Limnological Institute SB RAS, Laboratory of Hydrocarbon Microbiology, Head of the Laboratory, D.Sc. in Biology; *e-mail:* tzema@lin.irk.ru

## REFERENCES

- Atlas Bajkala [Atlas of the Baikal Lake] / Pod red. G.I. Galaziya. Moskva: Sibirskoe otdelenie AN SSSR, Mezhdovedstvennyj sovet programmy «Sibir», Federal'naya sluzhba geodezii i kartografii, 1993. 160 c. (in Russian).
- Atlas R.M.* Effects of hydrocarbons on microorganisms and biodegradation in Arctic ecosystems in Petroleum Effects in the Arctic Environment / Ed. F.R. Engelhardt. UK, London: Elsevier, 1985. P. 63–99.
- Gorshkov A.G., Marinayte I.I., Zemskaya T.I., Khodzher T.V.* Sovremennyy uroven' nefteproduktov v vode ozera Bajkal i ego pritokov [Actual concentrations of oil products in water of the Baikal Lake and its tributaries] // Himiya v interesah ustojchivogo razvitiya. 2010. V. 18. P. 711–718 (in Russian).
- Gramberg I.S.* Arkticheskij shel'f – budushchee neftegazovoj promyshlennosti Rossii [The Arctic shelf as a future of the oil and gas industry of Russia] / I.S. Gramberg, O.I. Suprunenko // Arktika na poroge tret'ego tysyacheletiya (resursnyj potencial i problemy ehkologii). SPb.: Nauka, 2000. P. 133–144 (in Russian).
- Gramberg I.S., Sorokov D.S., Suprunenko O.I.* Neftegazovye resursy Rossijskogo shel'fa [Oil and gas resources of the Russian shelf] // Prospect and protection of mineral resources. 1993. № 8. P. 8–11 (in Russian).
- Haines J.R., Kadkhodayan M., Mocsny D.J., Jones C.A., Islam M., Venosa A.D.* Effect of salinity, oil type, and incubation temperature on oil degradation. International symposium on in situ and on-site bioreclamation. USA: San Diego, 1993. P. 75–83.
- Harris R.F.* Effect of water potential on microbial growth and activity / Eds J.F. Parr, W.R. Gardner, L.F. Elliott. Madison: Soil Science Society of America, 1981. P. 23–95.
- Hirsch R., Bezdek R., Wendling R.* Peaking of world oil production and its mitigation // American Institute of Chemical Engineers Journal. 2006. V. 52. № 1. P. 1–7.
- Kontorovich A.E., Kashirtsev V.A., Moskvina V.I., Burshtein L.M., Zemskaya T.I., Kostyreva E.A., Kalmychikov G.V., Khlystov O.M.* Neftegazonosnost otlozhenij ozera Bajkal [Petroleum potential of the Baikal Lake] // Russian Geol. Geophys. 2007. V. 48. P. 1046–1053 (in Russian).
- Lane D.J.* 16S/23S rRNA sequencing. Wiley: New York, 1991. P. 115–175.
- Liu J., Bacosa H.P., Liu Z.* Potential environmental factors affecting oil-degrading bacterial populations in deep and surface waters of the Northern Gulf of Mexico // Front. Microbiol. 2017. V. 7. 2131 p.
- Mamaeva E.V., Galach'yants Y.P., Khabudaev K.V., Petrova D.P., Pogodaeva T.V., Khodzher T.B., Zemskaya T.I.* Metagenomnyj analiz mikrobnih soobschestv donnyh osadkov shelfa Karskogo moraya i Enisejskogo zaliva [Metagenomic analysis of microbial communities of bottom sediments of the Kara Sea Shelf and the Yenisei Bay] // Microbiology. 2016. V. 85. № 2. P. 187–198 (in Russian).
- McGenity T.J.* Halophilic hydrocarbon degraders / Ed. K.N. Timmis. Berlin: Springer-Verlag, 2010. P. 1939–1951.
- McMillen S.J., Requejo A.G., Young G.N., Davis P.S., Cook P.D., Kerr J.M., Gray N.R.* Bioremediation potential of crude oil spilled on soil / Eds. R.E. Hinchee, C.M. Vogel, F.J. Brockman. San Diego: Battelle Press, 1995. P. 91–99.
- Michel J., Hayes M.O.* Weathering patterns of oil residues eight years after the Exxon Valdez oil spill // Mar. Poll. Bull. 1999. V. 38. № 10. P. 855–863.
- Pavlova O.N., Lomakina A.V., Gorshkov A.G., Suslova M.Y., Likhoshvai A.V., Zemskaya T.I.* Mikrobnnye soobschestva i ih sposobnost okislyat n-alkany v rajone razgruzki gazoneftesoderzhashchih fluidov v Srednem Baikale (mys Gorevoj Utes) [Microbial communities and their ability to oxidize n-alkanes in the area of release of gas- and oil-containing fluids in mid-Baikal (Cape Gorevoi Utes)] // Biol. Bull. 2012. V. 39. № 5. P. 458–463 (in Russian).
- Pavlova O.N., Zemskaya T.I., Gorshkov A.G., Kostornova T.Y., Parfenova V.V.* Sravnitel'naya harakteristika mikrobnih soobschestv dvuh rajonov estestvennyh nefteproyavlenij ozera Bajkal [Comparative characterization of microbial communities in two regions of natural oil seepage in the Baikal Lake] // Biol. Bull. 2008a. V. 35. № 3. P. 287–293 (in Russian).
- Pavlova O.N., Zemskaya T.I., Gorshkov A.G., Parfenova V.V., Suslova M.Y., Khlystov O.M.* Issledovanie mikrobnogo soobschestva ozera Bajkal v rajone estestvennyh nefteproyavlenij [Study on the Lake Baikal microbial community in the areas of the natural oil seeps] // Appl. Biochem. Microbiol. 2008b. V. 44. № 3. P. 287–291 (in Russian).
- Piccolo L.L., Pasquale C.D., Fodale R., Puglia A.M., Quatrini P.* Involvement of an alkane hydroxylase system of *Gordonia* sp. Strain SoCg in degradation of solidn-alkanes // Appl. Environ. Microbiol. 2011. V. 77. № 4. P. 1204–1213.
- Pogodaeva T.V., Zemskaya T.I., Golobokova L.P., Khlystov O.M., Minami H., Sakagami H.* Osobennosti himicheskogo sostava porovyh vod donnyh otlozhenij razlichnyh rajonov ozera Bajkal [Specific features of the chemical composition of pore waters of bottom sediments in different Baikal basins] // Russ. Geol. Geophys. 2007. V. 48. P. 886–900 (in Russian).
- Rike A.G., Burren M., Instanes A.* Response of cold-adapted microbial populations in a permafrost profile to hydrocarbon contaminants // Polar Record. 2001. V. 37. № 202. P. 239–248.
- Rochelle P.A.* DNA extraction for 16S rRNA gene analysis to determine genetic diversity in deep sediment communities // FEMS Microbiol. Lett. 1992. V. 100. P. 59–66.
- Rojo F.* Degradation of alkanes by bacteria // Environ. Microbiol. 2009. V. 11. № 10. P. 2477–2490.
- Sambrook J., Fritsch E.F., Maniatis T.* Molecular Cloning. New York: Cold Spring Harbor, 1989. 545 p.
- Sei K., Mori K., Kohno T., Maki H.* Development and application of PCR primers for monitoring alkane-degrading bacteria in seawater microcosm during crude oil degradation process // Journal of Chemical Engineering of Japan. 2003. V. 36. № 10. P. 1185–1193.
- Smits T.H.M., Balada S.B., Witholt B., van Beilen J.B.* Functional analysis of alkane hydroxylases from gram-negative and gram-positive bacteria // J. Bacteriol. 2002. V. 184. P. 1733–1742.
- van Beilen J.B., Funhoff E.G.* Alkane hydroxylases involved in microbial alkane degradation // Appl. Microbiol. Biotechnol. 2007. V. 74. № 1. P. 13–21.
- Walworth J., Braddock J.F., Woolard C.* Nutrient and temperature interactions in bioremediation of cryic soils // Cold Regions Science and Technology. 2001. V. 32. № 2–3. P. 85–91.
- Whyte L.G., Goalen B., Hawari J., Labbe D., Greer C.W., Nahir M.* Bioremediation treatability assessment of hydrocarbon-contaminated soils from Eureka, Nunavut // Cold Reg. Sci. Technol. 2001. V. 32. P. 121–132.

Received 26.02.2018  
Accepted 20.07.2018